



## Présentation

**Code interne :** BT8SAPRO

### Description

Etre capable de comprendre et d'interpréter des résultats d'analyses protéomiques modernes. Savoir envisager une stratégie de caractérisation de protéines.

### Heures d'enseignement

CI	Cours Intégrés	12h
CM	Cours Magistraux	2h

### Pré-requis obligatoires

Enseignement de 1A Macromolécules biologiques UE BC1 S5 et DSP1 Biomolécules BC2 S5

### Informations complémentaires

Identification de protéines par spectrométrie de masse. Caractérisation des protéines (masse moléculaire exacte, modifications post traductionnelles). Quantification relative des protéines : approches non ciblées (SILAC, iTRAQ, LabelFree) et ciblées (MRM et PRM) et quantification absolue des protéines (AQUA). Localisation des protéines (LOPIT). Technologies pour étudier les interactions protéine-protéine. Exemples d'application de la protéomique (identification des protéines dans des mélanges complexes, identification des protéines cibles d'un ligand).

### Modalités de contrôle des connaissances

## Évaluation initiale / Session principale

Type d'évaluation	Nature de l'évaluation	Durée (en minutes)	Nombre d'épreuves	Coefficient de l'évaluation	Note éliminatoire de l'évaluation	Remarques
Contrôle Terminal	Écrit	60		1		

## Seconde chance / Session de rattrapage

Type d'évaluation	Nature de l'évaluation	Durée (en minutes)	Nombre d'épreuves	Coefficient de l'évaluation	Note éliminatoire de l'évaluation	Remarques
Epreuve terminale	Écrit	60		1		

## Infos pratiques

### Contacts

Sébastien Vilain

✉ [Sebastien.Vilain@bordeaux-inp.fr](mailto:Sebastien.Vilain@bordeaux-inp.fr)